

仕 様 書

1. 業 務 名 アスナロ属における RNA-seq 解析 一式
2. 業務概要 次世代シーケンサ（イルミナ社 HiSeq）を用いてアスナロ属の RNA-seq を行う。
3. 作業内容 提供サンプル：total RNA
 サンプル数：96 検体

I. 品質検査

下記項目にて、受け入れライブラリの品質検定を行うこと。

- (1) Nanodrop (分光光度計)を用いた濃度測定。
- (2) Agilent BioAnalyzer または Tapestation での測定による品質確認。

II. シーケンスライブラリの作製及び品質確認

- (1) 品質測定に合格したサンプルについてイルミナ社 Truseq stranded mRNA ライブラリ調整キットを用いてライブラリ調整を行う。
- (2) Agilent BioAnalyzer または Tapestation での測定によるサイズ確認
- (3) Quantitative PCR によるライブラリの定量

III. 次世代シーケンサによるデータ取得

イルミナ社 HiSeq を使用し、下記の要領でシーケンス解析を行うこと。

- (1) 解析方法 : ペアエンド解析
- (2) 検体数 : 96 検体
- (3) ラン条件 : 96 サンプル/lane
- (4) 読み取り塩基長 : 150 塩基(両鎖解析)/1 リード

IV. データ解析

上記 II. で得られた解析生データについては、下記に挙げる情報処理を実施すること。

- (1) Bcl ファイルを bcl2fastq で Fastq ファイル(Raw data)に変換する。
- (2) Raw data の summary を作成する。(総 base 数、read 数、GC(%), Q20(%), Q30(%))

4. 納品データ

成果物として、上記IVにより得たデータを HDD に入れて納入する。また、納入にあたっては、書面により、その旨を報告する。

5. 納品場所 茨城県日立市十王町伊師 3 8 0 9 - 1
 国立研究開発法人森林研究・整備機構 森林総合研究所林木育種センター

6. 納 期 2020 年 1 月 17 日

7. その他

- (1) サンプルの送付、解析方法の詳細については、担当者と事前に協議を行い互いに納得した上で業務を行うこと。
- (2) 提供するサンプル及び本業務に際し得られた情報を無断で使用・公開したり、第三者に提供したりしてはならない。業務終了後も同様とする。
- (3) 本業務を第三者に委託する場合は、事前に担当者の了解を得ることとし、委託先において上記(2)と同様に取扱うこと。
- (4) 本仕様書に定めのない事項に関して疑義が生じた場合は、その都度担当者と協議の上、業務を遂行するものとし、軽微なものについては、その指示に従うこと。

(協議を行う場合、担当者が希望したならばメールや電話などでなく、依頼先が早急に担当者と直接打合せを行い、疑義について解決するよう尽力する。価格については、協議を行う上で発生する業務費用(出張費など)を予め含めたうえで提示する事。

以上